

DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE (art. 46 e 47 D.P.R. 445/2000)

La sottoscritta [REDACTED], consapevole che le dichiarazioni false comportano l'applicazione delle sanzioni penali previste dall'art. 76 del D.P.R. 445/2000, dichiara che le informazioni riportate nel seguente curriculum vitae, redatto in formato europeo, corrispondono a verità e mi obbligo a comprovare quando codesto Dipartimento dovesse richiedermele.

INFORMAZIONI PERSONALI

[REDACTED]

✉ E-mail: [REDACTED]

☎ Skype: [REDACTED]

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

Luglio 2020 – Oggi

Assegno di Ricerca – Finanziamento AIRC

Progetto "A Systems Genetics Approach for the Identification of Molecular Determinants of Cancer Immune Responsiveness"

Università degli Studi di Napoli "Federico II", Dipartimento di Ingegneria Elettrica e delle Tecnologie dell'Informazione, Napoli, NA, Italia - *Supervisor Prof. Michele Ceccarelli.*

Attività di Ricerca: Sviluppo e applicazione di approcci di Biologia Computazionale per lo studio di determinanti molecolari della risposta immune nel Cancro a partire da dati multi-omici.

Anno Accademico 2021/2022

Docenza a contratto

Insegnamento "Biologia Computazionale" 6 CFU – Corso di Laurea in Biotecnologie Genetiche e Molecolari

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia

Anno Accademico 2020/2021

Docenza a contratto

Insegnamento "Biologia Computazionale" & CFU – Corso di Laurea in Biotecnologie Genetiche e Molecolari

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia

Maggio 2019 – Maggio 2020

Assegno di Ricerca – Finanziamento AIRC

Progetto "A Systems Genetics Approach for the Identification of Molecular Determinants of Cancer Immune Responsiveness"

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia - *Supervisor Prof. Michele Ceccarelli.*

Attività di Ricerca: Analisi Bioinformatica di dati da piattaforme genomiche multiple per la stratificazione di pazienti in sottotipi molecolari omogenei

Gennaio 2019 – Aprile 2019

Contratto a termine – Ricercatore Area Bioinformatica

Istituto di Ricerche Genetiche "Gaetano Salvatore" (IRGS) c/o BioGeM s.c.a.r.l, Ariano Irpino, AV, Italia. *Laboratorio di Bioinformatica - Supervisor Prof. Michele Ceccarelli.*

Attività di Ricerca: sviluppo di approcci bioinformatici per la classificazione funzionale dei non-coding RNAs attraverso l'utilizzo di metodi basati sul deep-learning.

Dicembre 2015 – Gennaio 2019

Assegno di Ricerca – Finanziamento FIRB2012

Progetto "Non-Coding RNA Explosion: Novel Implications in Neurotrophin Biology"

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia - *Supervisor Prof. Luigi Cerulo.*

Attività di Ricerca: Sviluppo di algoritmi di analisi di sequenza e di attività trascrizionale allo scopo di



rilevare possibili associazioni regolatrici tra long non coding RNA e Neurotrofine.

Novembre 2015 – Maggio 2019

Attività di ricerca per il Dottorato

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia; Istituto di Ricerche Genetiche “Gaetano Salvatore” (IRGS) c/o BioGeM s.c.a.r.l, Ariano Irpino, AV, Italia. Laboratorio di Bioinformatica - Supervisor Prof. Luigi Cerulo.

Attività di Ricerca: sviluppo di approcci bioinformatici per l'identificazione e la classificazione funzionale di non-coding RNAs, in particolare long non-coding RNAs: (a) identificazione di long non-coding RNAs attraverso l'utilizzo di approcci machine-learning, (b) l'identificazione di long non-coding RNAs omologhi attraverso l'utilizzo di metodi alignment-free, (c) classificazione funzionale dei non-coding RNAs attraverso l'utilizzo di metodi basati sul deep-learning.

Ottobre 2017- Dicembre 2017

Attività di tutorato - Contratto di collaborazione coordinata e continuativa

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia.

Attività di tutorato svolta all'interno delle strutture Didattiche e Scientifiche del Dipartimento di Scienze e Tecnologie dell'Università degli Studi del Sannio nell'anno accademico 2016/2017, nell'ambito del progetto PLS (Piano Lauree Scientifiche 2014/2016): “Azione di riduzione del tasso di abbandono tra il primo e il secondo anno – innovazione di strumenti e metodologie didattiche”.

Oggetto attività di tutorato: creazione e gestione di corsi didattici per piattaforme di apprendimento e-learning; redazione e revisione materiale didattico.

Anno Accademico 2019/2020
Anno Accademico 2018/2019
Anno Accademico 2017/2018
Anno Accademico 2016/2017

Collaborazione ad attività accademiche

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia.

Collaborazione e supporto alle Commissioni di esami e profitto, alle attività esercitative, seminariali e di tutoraggio a titolo di Cultore della materia nel Settore Scientifico Disciplinare ING-INF/05-Sistemi di Elaborazione delle informazioni.

Gennaio 2014 – Febbraio 2015

Tirocinio formativo Laurea Magistrale

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia. Laboratorio di Bioinformatica - Supervisor Prof. Michele Ceccarelli.

Attività di Laboratorio: utilizzo di metodi bioinformatici per l'inferenza di Reti di Regolazione genica e valutazione delle loro performances; sviluppo di scripts mediante programmazione in R; utilizzo di algoritmi di Reverse Engineering

Gennaio 2011 – Dicembre 2011

Tirocinio formativo Laurea Triennale

Ospedale “A.Tortora”, Pagani (SA)

Attività di Laboratorio: Utilizzo di metodi di Genetica Molecolare e Citogenetica per l'analisi di materiale abortivo e sangue periferico

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Novembre 2015 – Maggio 2019

Dottorato di Ricerca in Scienze e Tecnologie per l'Ambiente e la Salute (XXXI ciclo)

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia; Istituto di Ricerche Genetiche “Gaetano Salvatore” (IRGS) c/o BioGeM s.c.a.r.l, Ariano Irpino, AV, Italia. Laboratorio di Bioinformatica - Supervisor Prof. Luigi Cerulo.

Tesi in Bioinformatica dal titolo: “Computational approaches for studying long non-coding RNAs at genomic, evolutionary and functional level”.

Principali abilità acquisite: Interpretazione dati Omics; applicazione e manipolazione di workflow analitici per dati NGS, utilizzo metodi di classificazione statistica supervisionati e non, analisi in-silico non-coding; programmazione R/Shell.

Principali conoscenze acquisite: Biologia del genoma non-codificante.

Corsi didattici nell'ambito del programma di Dottorato: (a) Qualità e tecniche di produzioni animali, 6 CFU; (b) Inglese Avanzato, 6 CFU; (c) Informatica, 6 CFU; (d) Partecipazione alla “Fourth International



Synthetic and Systems Biology Summer School – SSBSS 2017”, University of Cambridge, 8 ECTS

Settembre 2012 – Febbraio 2015

Laurea Magistrale in Scienze e Tecnologie Genetiche (LM-9), 110/110

Università degli Studi del Sannio, Dipartimento di Scienze e Tecnologie, Benevento, BN, Italia.

Tesi in Bioinformatica dal titolo: “Reconstruction of a high confident Gene Regulatory Network in the context of mESC”. Tutor Prof. Michele Ceccarelli.

Principali materie trattate: Biologia molecolare, genetica, proteomica, farmacologia, bioinformatica.

Settembre 2008 – Dicembre 2011

Laurea Triennale in Scienze Biologiche - Curriculum in Biologia Molecolare e Computazionale (L-12), 110/110 con lode

Università degli Studi di Salerno, Fisciano, SA, Italia.

Tesi in Biologia Molecolare dal titolo: “The role of BRCA1/2 in DNA repair processes: the case study of Fanconi Anemia”, Supervisor Prof.ssa Elizabeth Illingworth.

Principali materie trattate: Biologia molecolare, genetica, microbiologia, biologia cellulare, biochimica, bioinformatica, fisiopatologia.

Settembre 2003 - Luglio 2008

Diploma Scuola Secondaria ad indirizzo scientifico, 100/100

Diploma di Scuola Secondaria di secondo grado, Liceo Scientifico indirizzo Sperimentale. Istituto “N. Sensale”, Nocera inferiore (SA), Italia.

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue

Inglese

COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
B2 Utente intermedio	B2 Utente intermedio	B2 utente intermedio	B2 utente intermedio	B2 utente intermedio

Competenze comunicative

Buone capacità comunicative acquisite in ambito pre e post-universitario. Capacità di collaborare con altre persone attivamente e fruttuosamente per il raggiungimento di obiettivi comuni

Competenze organizzative e gestionali

Eccellenti capacità organizzative acquisite nel periodo universitario attraverso attività didattiche di gruppo, e nel periodo post-universitario attraverso collaborazioni con diversi team di ricerca.

Competenze professionali

Competenze acquisite durante il tirocinio di laurea magistrale e il corso di dottorato:

- Buone competenze in analisi di espressione genica di profili trascrizionali, approcci di clustering, processing di dati di microarray e next generation sequencing.
- Buone competenze nell'uso di metodi di machine learning e deep learning.
- Buone competenze nell'uso di metodi di inferenza di reti di tipo supervised e unsupervised per l'identificazione di reti di regolazione genica.
- Buone competenze dell'utilizzo dei principali database di bioinformatica (UCSC, MGI, GeneCards, Ensembl, Jaspas, String, KEGG, EMBL-EBI, GenBank, NCBI).
- Buona esperienza nella redazione e revisione di materiale online per piattaforme di apprendimento e-learning.

Competenza digitale

AUTOVALUTAZIONE



Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Utente intermedio	Utente intermedio	Utente intermedio	Utente intermedio	Utente intermedio

Competenze acquisite durante il tirocinio di laurea magistrale e il corso di dottorato:

- Buona padronanza del pacchetto Office (Word, PowerPoint, Excel).
- Buona padronanza dei Sistemi Operativi Microsoft Windows, iOS e Unix.
- Buona padronanza in programmazione R e Shell.
- Conoscenza base dei linguaggi di programmazione C++ e Python.

Patente di guida

Patente B

PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE

- Scrima, M., Cossu, A. M., D'Andrea, E. L., Bocchetti, M., Abruzzese, Y., Iannarone, C., ..., **Noviello, T. M. R.** ... & Caraglia, M. (2022). Genomic Characterization of the Emerging SARS-CoV-2 Lineage in Two Districts of Campania (Italy) Using Next-Generation Sequencing. *Front. Virol.* 2: 814114. doi: 10.3389/fviro.
- D'Agostino, Y., Frigato, E., **Noviello, T. M. R.**, Toni, M., Frabetti, F., Cigliano, L., ... & D'Aniello, S. (2022). Loss of circadian rhythmicity in bdnf knockout zebrafish larvae. *Iscience*, 25(4), 104054.
- Simeone, I., Rubolino, C., **Noviello, T. M. R.**, Farinello, D., Cerulo, L., Marzi, M. J., & Nicassio, F. (2022). Prediction and pan-cancer analysis of mammalian transcripts involved in target directed miRNA degradation. *Nucleic acids research*, 50(4), 2019-2035.
- Paladino, A., D'Angelo, F., **Noviello, T. M. R.**, Iavarone, A., and Ceccarelli, M. (2021). Structural Model for Recruitment of RIT1 to the LZTR1 E3 Ligase: Evidences from an Integrated Computational Approach. *Journal of chemical information and modeling*, 61(4), 1875-1888.
- **Noviello, T. M. R.**, Ceccarelli, F., Ceccarelli, M., and Cerulo, L. (2020). Deep learning predicts short non-coding RNA functions from only raw sequence data. *PLoS computational biology*, 16(11), e1008415.
- Tagliaferri, D.*; Mazzone, P.*; **Noviello, T. M. R.***; Addeo, M., Angrisano, T., Del Vecchio, L., Visconte, F., Ruggieri, V., Russi, S., Caivano, A., Cantone, I., De Felice, I., Ceccarelli, M., Cerulo, L. and Falco, G. (2020). Retinoic Acid Induces Embryonic Stem Cells (ESCs) Transition to 2 Cell-Like State Through a Coordinated Expression of Dux and Duxbl1. *Frontiers in Cell and Developmental Biology*, 7, 385.
- **Noviello, T. M. R.**, Di Liddo, A., Ventola, G. M., Spagnuolo, A., D'Aniello, S., Ceccarelli, M., and Cerulo, L. (2018). Detection of long non-coding RNA homology, a comparative study on alignment and alignment-free metrics. *BMC bioinformatics*, 19(1), 407.
- Ventola, G. M.*; **Noviello, T. M. R.***; D'Aniello, S., Spagnuolo, A., Ceccarelli, M., and Cerulo, L. (2017). Identification of long non-coding transcripts with feature selection: a comparative study. *BMC bioinformatics*, 18(1), 187.

*These authors contributed equally to this work

ULTERIORI INFORMAZIONI

Conferenze

- Speaker at BBCC2015 - Bioinformatics and Computational Biology International Conference, Avellino, Italy
- Poster at BITS2016 - Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society, Fisciano, Italy
- Poster at 2016 The kidney in genetic and rare diseases Conference, Naples, Italy
- Speaker at CIBB2017 - Computational Intelligence methods for Bioinformatics and Biostatistics, Cagliari, Italy
- Speaker at SSBSS 2017 - 4th International Synthetic and Systems Biology Summer School, Cambridge
- Poster at BITS2018 - Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society, Torino, Italy
- Speaker and Poster at BIOKDD 2018 - 24th ACM SIGKDD Conference on Knowledge Discovery and Data Mining, London



Corsi e Summer School

- Summer School "DeepLearn 2019", Varsavia, 22-26/07/2019
- Corso di Formazione "Horizon 2020: il programma quadro per la ricerca e l'innovazione – opportunità per il tema salute e guida alla progettazione". Agenzia per la Promozione della Ricerca Europea (APRE), Biogem, 13/04/2017.
- Corso di "Formazione Generale per i Lavoratori sulla Sicurezza sul Lavoro". Valido su tutto il territorio nazionale e costituisce credito formativo permanente. Benevento, 12-18/06/2017
- Corso di "Formazione Specifica per i Lavoratori sulla Sicurezza sul Lavoro". Valido su tutto il territorio nazionale e costituisce credito formativo soggetto ad aggiornamento quinquennale. Benevento, 19/06/2017
- Corso di formazione in "Laboratory Safety", Biogem s.c.a.r.l., Ariano Irpino (AV). Durata in ore: 16
- Corso di formazione in "Genetic and Molecular Biological Technologies in Biotechnology", Biogem s.c.a.r.l., Ariano Irpino (AV), Organizzato da: Centro Inter-universitario Campano Lifelong Learning. Durata in ore: 132

Menzioni

- Biogem s.c.a.r.l. – Life and Mind School 2012 Scholarship
- Culture della materia nel Settore Scientifico Disciplinare ING-INF/05-Sistemi di Elaborazione delle informazioni (Anno Accademico 2016/2017, 2017/2018, 2019/2020)

Associazioni

- Associazione Dottorandi e Dottori di Ricerca Italiani (ADI)

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Luogo e data
Benevento, 27/07/2022

Firma

